



## **JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

### **Datos Generales**

**Nombre:** JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ

**Máximo nivel de estudios:** POSDOCTORADO

**Antigüedad académica en la UNAM:** 34 años

---

### **Nombramientos**

**Vigente:** INVESTIGADOR TITULAR C TC Definitivo  
Instituto de Biotecnología  
Desde 01-01-2008 (fecha inicial de registros en el SIIA)

---

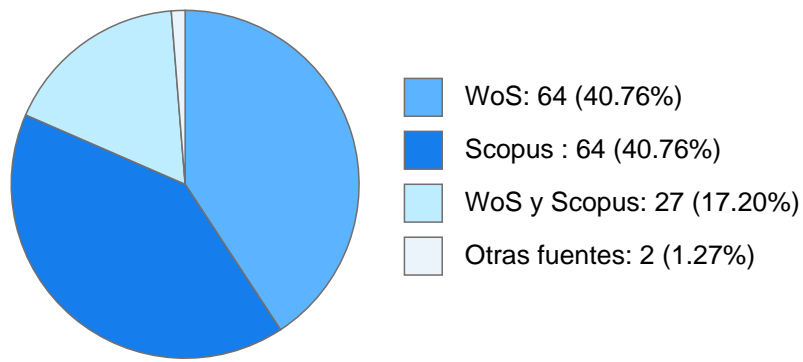
### **Estímulos, programas, premios y reconocimientos**

SNI III - 2024  
PRIDE C 2019 - 2024  
PRIDE D - 2019

## JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ

### DOCUMENTOS EN REVISTAS

#### Histórico de Documentos



#	Título	Autores	Revista	Año
1	Homorepeat variability within the human population	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Pablo Mier Miguel A. Andrade-Navarro	Nar Genomics And Bioinformatics	2024
2	Identifying selection signatures across Mexican Indigenous populations using a new bioinformatics tool for whole-genome data	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Fernanda Miron Austin W. Reynolds et al.	American Journal Of Biological Anthropology	2023
3	Erratum: Whole genome variation in 27 Mexican indigenous populations, demographic and biomedical insights (PLoS ONE (2021) 16:4 (e0249773) DOI: 10.1371/journal.pone.0249773)	FRANCISCO XAVIER DEL ESPIRITU SANTO SOBERON MAINERO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Aguilar-Ordoñez I. et al.	PLOS ONE	2022
4	A Tale of Native American Whole-Genome Sequencing and Other Technologies	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Israel Aguilar-Ordóñez Josue Guzman-Linares et al.	DIVERSITY-BASE L	2022
5	Specialization of the Reiterated Copies of the Heterodimeric Integration Host Factor Genes in Geobacter sulfurreducens	MIGUEL ANGEL ANDRADE PADILLA JOSE ALBERTO HERNANDEZ ELIGIO LETICIA VEGA ALVARADO et al.	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY	2021

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

6	High-throughput transcriptome sequencing and comparative analysis of <i>Escherichia coli</i> and <i>Schizosaccharomyces pombe</i> in respiratory and fermentative growth	VERONICA JIMENEZ JACINTO LETICIA OLVERA RODRIGUEZ RICARDO ALFREDO GRANDE CANO et al.	PLOS ONE	2021
7	Whole genome variation in 27 Mexican indigenous populations, demographic and biomedical insights	ALEJANDRO ANGEL GARCIA RUBIO GRANADOS ENRIQUE HERNANDEZ LEMUS LORENA SOFIA OROZCO OROZCO et al.	PLOS ONE	2021
8	Transcriptome Analysis Reveals Cr(VI) Adaptation Mechanisms in <i>Klebsiella</i> sp. Strain AqSCr	LETICIA VEGA ALVARADO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ KATY JUAREZ LOPEZ et al.	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY	2021
9	Marine archaeon methanosarcina acetivorans enhances polyphosphate metabolism under persistent cadmium stress	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ MARIA ALICIA VEGA SEGURA MARIA EUGENIA TORRES MARQUEZ et al.	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY	2019
10	Acetate biostimulation as an effective treatment for cleaning up alkaline soil highly contaminated with Cr(VI)	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ KATY JUAREZ LOPEZ Lara, P.	ENVIRONMENTAL SCIENCE AND POLLUTION RESEARCH	2017
11	Demographic history and biologically relevant genetic variation of Native Mexicans inferred from whole-genome sequencing	ADRIAN OCHOA LEYVA ALESSANDRA CARNEVALE CANTONI MARIA DE LOS ANGELES GRANADOS SILVESTRE et al.	NATURE COMMUNICATIONS	2017
12	The unphosphorylated form of the PilR two-component system regulates pilA gene expression in <i>Geobacter sulfurreducens</i>	MIGUEL ANGEL ANDRADE PADILLA JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ KATY JUAREZ LOPEZ et al.	ENVIRONMENTAL SCIENCE AND POLLUTION RESEARCH	2017
13	Global transcriptional start site mapping in <i>Geobacter sulfurreducens</i> during growth with two different electron acceptors	VERONICA JIMENEZ JACINTO LETICIA VEGA ALVARADO MARICELA OLVERA RODRIGUEZ et al.	FEMS MICROBIOLOGY LETTERS	2016
14	Structural properties of prokaryotic promoter regions correlate with functional features	PEDRO JULIO COLLADO VIDES JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Meysman, Pieter et al.	PLOS ONE	2014
15	Exopolyphosphatase of <i>Pseudomonas aeruginosa</i> is essential for the production of virulence factors, and its expression is controlled by NtrC and PhoB acting at two interspaced promoters	LETICIA OLVERA RODRIGUEZ JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Gallarato, Lucas A. et al.	MICROBIOLOGY -SGM	2014

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

16	RegulonDB v8.0: Omics data sets, evolutionary conservation, regulatory phrases, cross-validated gold standards and more	HELADIA SALGADO OSORIO Martin Peralta Gil MA. DEL SOCORRO GAMA CASTRO et al.	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	2013
17	Evidence classification of high-throughput protocols and confidence integration in RegulonDB	Verena Weiss Alejandra Medina Rivera Araceli M. Huerta et al.	DATABASE-THE JOURNAL OF BIOLOGICAL DATABASES AND CURATION	2013
18	Transcription Factors in Escherichia coli Prefer the Holo Conformation	Yalbi Itzel Balderas Martinez HELADIA SALGADO OSORIO ERNESTO PEREZ RUEDA et al.	PLOS ONE	2013
19	Evolutionary Walk between (beta/alpha) <sub>8</sub> Barrels: Catalytic Migration from Triosephosphate Isomerase to Thiamin Phosphate Synthase	GLORIA SAAB RINCON LETICIA OLVERA RODRIGUEZ MARICELA OLVERA RODRIGUEZ et al.	JOURNAL OF MOLECULAR BIOLOGY	2012
20	Transcriptional Regulation of the assT-dsbL-dsbl Gene Cluster in Salmonella enterica Serovar Typhi IMSS-1 Depends on LeuO, H-NS, and Specific Growth Conditions	A. L. Gallego Hernandez ISMAEL HERNANDEZ LUCAS M. A. De la Cruz et al.	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	2012
21	Evolution of a new function in an esterase: simple amino acid substitutions enable the activity present in the larger paralog, BioH	HUMBERTO FLORES SOTO Gabriel Contreras Ferrat JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ et al.	PROTEIN ENGINEERING DESIGN & SELECTION	2012
22	Genetic changes during a laboratory adaptive evolution process that allowed fast growth in glucose to an Escherichia coli strain lacking the major glucose transport system	JOSE ADELFO ESCALANTE LOZADA NOEMI FLORES MEJIA RAMON DE ANDA HERRERA et al.	Bmc Genomics	2012
23	RegulonDB version 7.0: Transcriptional regulation of Escherichia coli K-12 integrated within genetic sensory response units (Gensor Units)	MA. DEL SOCORRO GAMA CASTRO HELADIA SALGADO OSORIO Martin Peralta Gil et al.	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	2011
24	Choline catabolism, sigma <sup>54</sup> factor and NtrC are required for the full expression of the Pseudomonas aeruginosa phosphorylcholine phosphatase gene	LETICIA OLVERA RODRIGUEZ JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Massimelli, Maria J. et al.	MICROBIOLOGICAL RESEARCH	2011

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

25	The Genome Project of Taenia solium	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ ALEJANDRO ANGEL GARCIA RUBIO GRANADOS RAUL JOSE BOBES RUIZ et al.	INFECTION GENETICS AND EVOLUTION	2009
26	The Taenia solium genome project: progress report	ALEJANDRO ANGEL GARCIA RUBIO GRANADOS KAREL JOHAN ESTRADA GUERRA RAUL JOSE BOBES RUIZ et al.	TROPICAL MEDICINE & INTERNATIONAL HEALTH	2009
27	Transcription Analysis of Central Metabolism Genes in Escherichia coli. Possible Roles of sigma(38) in Their Expression, as a Response to Carbon Limitation	LETICIA OLVERA RODRIGUEZ Alfredo Mendoza Vargas NOEMI FLORES MEJIA et al.	PLOS ONE	2009
28	Genome-Wide Identification of Transcription Start Sites, Promoters and Transcription Factor Binding Sites in E. coli	Alfredo Mendoza Vargas LETICIA OLVERA RODRIGUEZ MARICELA OLVERA RODRIGUEZ et al.	PLOS ONE	2009
29	Bioinformatics Resources for the Study of Gene Regulation in Bacteria	PEDRO JULIO COLLADO VIDES HELADIA SALGADO OSORIO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ et al.	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	2009
30	A clustering genetic algorithm for genomic data mining	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Tapia J.J. Vallejo E.E.	Studies In Computational Intelligence	2009
31	DNA sequence analysis using fuzzy grammars	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Molina-Lozano H. Vallejo-Clemente E.E.	IEEE International Conference on Fuzzy Systems	2008
32	The Genome Project of Taenia solium	ALEJANDRO ANGEL GARCIA RUBIO GRANADOS RAUL JOSE BOBES RUIZ JULIO CESAR CARRERO SANCHEZ et al.	INTERNATIONAL JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES	2008
33	RegulonDB (version 6.0): gene regulation model of Escherichia coli K-12 beyond transcription, active (experimental) annotated promoters and Textpresso navigation	MA. DEL SOCORRO GAMA CASTRO VERONICA JIMENEZ JACINTO Martin Peralta Gil et al.	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	2008
34	Sensitive genome-wide screen for low secondary enzymatic activities: The YjbQ family shows thiamin phosphate synthase activity	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ GLORIA SAAB RINCON LETICIA OLVERA RODRIGUEZ et al.	JOURNAL OF MOLECULAR BIOLOGY	2008
35	Inferring modules of functionally interacting proteins using the Bond Energy Algorithm	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Watanabe, Ryosuke L. A. Vallejo, Edgar E.	Bmc Bioinformatics	2008

## JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ

36	Ancestral DNA sequence reconstruction using recursive genetic algorithms	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Martínez M. Vallejo E.E.	Lecture Notes in Computer Science	2007
37	Multiple regulators of the Flavohaemoglobin (hmp) gene of Salmonella enterica serovar Typhimurium include RamA, a transcriptional regulator conferring the multidrug resistance phenotype	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Hernández-Urzúa E. Zamorano-Sánchez D.S. et al.	ARCHIVES OF MICROBIOLOGY	2007
38	A role for the conserved GAFTGA motif of AAA+ transcription activators in sensing promoter DNA conformation	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Dago A.E. Wigneshweraraj S.R. et al.	JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY	2007
39	Insights on the evolution of trehalose biosynthesis	NELSON AVONCE VERGARA JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Mendoza-Vargas A. et al.	BMC EVOLUTIONARY BIOLOGY	2006
40	The genome project of Taenia solium	JOSE HUGO AGUILAR DIAZ RAUL JOSE BOBES RUIZ JULIO CESAR CARRERO SANCHEZ et al.	PARASITOLOGY INTERNATIONAL	2006
41	Selection for unequal densities of s70 promoter-like signals in different regions of large bacterial genomes	ARACELI HUERTA MORENO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ PEDRO JULIO COLLADO VIDES et al.	PLOS GENETICS	2006
42	Improving random mutagenesis by purification of the oligonucleotide variants	RUBEN PAUL GAYTAN COLIN JORGE ARTURO YAÑEZ PONCE DE LEON RICARDO ALFREDO GRANDE CANO et al.	COMBINATORIAL CHEMISTRY & HIGH THROUGHPUT SCREENING	2005
43	Shuffled: A software suite that assists the analysis of recombinant products resulting from DNA shuffling	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Garcíarrubio A.G.	Biotechniques	2004
44	GeConT: Gene context analysis	JOSE RICARDO CIRIA MERCE JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ ENRIQUE MERINO PEREZ et al.	Bioinformatics	2004
45	Communication between Es54, promoter DNA and the conserved threonine residue in the GAFTGA motif of the PspF s54- dependent activator during transcription activation	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Bordes P. Wigneshweraraj S.R. et al.	MOLECULAR MICROBIOLOGY	2004
46	Systematic discovery of analogous enzymes in thiamin biosynthesis	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ GLORIA SAAB RINCON LETICIA OLVERA RODRIGUEZ et al.	Nature Biotechnology	2003

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

47	Binding of transcriptional activators to sigma 54 in the presence of the transition state analog ADP-aluminum fluoride: Insights into activator mechanochemical action	RICARDO ALFREDO GRANDE CANO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Chaney M. et al.	GENES & DEVELOPMENT	2001
48	Reciprocal domain evolution within a transactivator in a restricted sequence space	KATY JUAREZ LOPEZ SONIA DAVILA RAMOS LETICIA OLVERA RODRIGUEZ et al.	PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE UNITED STATES OF AMERICA	2000
49	Compilation and analysis of s54-dependent promoter sequences	HUMBERTO BARRIOS CAMACHO MARIA BRENDA VALDERRAMA BLANCO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	1999
50	Suppression analysis of positive control mutants of NifA reveals two overlapping promoters for Klebsiella pneumoniae rpoN	RICARDO ALFREDO GRANDE CANO MARIA BRENDA VALDERRAMA BLANCO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ	JOURNAL OF MOLECULAR BIOLOGY	1999
51	A novel transactivation domain in parkin	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Bork P.	TRENDS IN BIOCHEMICAL SCIENCES	1999
52	Evolution of new protein function: recombinational enhancer Fis originated by horizontal gene transfer from the transcriptional regulator NtrC	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Bork P.	FEBS LETTERS	1998
53	In vivo studies on the positive control function of NifA: A conserved hydrophobic amino acid patch at the central domain involved in transcriptional activation	LETICIA OLVERA RODRIGUEZ FRANCISCO XAVIER DEL ESPIRITU SANTO SOBERON MAINERO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ et al.	MOLECULAR MICROBIOLOGY	1998
54	In vivo genomic footprinting analysis reveals that the complex Bradyrhizobium japonicum fixRnifA promoter region is differently occupied by two distinct RNA polymerase holoenzymes	HUMBERTO BARRIOS CAMACHO RICARDO ALFREDO GRANDE CANO LETICIA OLVERA RODRIGUEZ et al.	PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE UNITED STATES OF AMERICA	1998

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

55	Did cyclodextrin glycosyltransferases evolve from $\alpha$ -amylases?	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ FRANCISCO XAVIER DEL ESPIRITU SANTO SOBERON MAINERO Del-Rio G.	FEBS LETTERS	1997
56	A proposed architecture for the Central domain of the bacterial enhancer-binding proteins based on secondary structure prediction and fold recognition	JOEL OSUNA QUINTERO FRANCISCO XAVIER DEL ESPIRITU SANTO SOBERON MAINERO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ	PROTEIN SCIENCE	1997
57	Regulatory proteins and cis-acting elements involved in the transcriptional control of <i>Rhizobium etli</i> reiterated <i>nifH</i> genes	MARIA BRENDA VALDERRAMA BLANCO ARACELI ELVIRA DAVALOS RODRIGUEZ MARIA DE LOURDES GIRARD CUESY et al.	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	1996
58	Overlapping promoters for two different RNA polymerase holoenzymes control <i>Bradyrhizobium japonicum</i> <i>nifA</i> expression	HUMBERTO BARRIOS CAMACHO JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Fischer H.-M. et al.	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	1995
59	The sigma 54 bacterial enhancer-binding protein family: mechanism of action and phylogenetic relationship of their functional domains.	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ LORENZO PATRICK SEGOVIA FORCELLA	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	1993
60	Influence of oxygen on DNA binding, positive control, and stability of the <i>Bradyrhizobium japonicum</i> <i>NifA</i> regulatory protein	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Fischer H.-M. Hennecke H.	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	1991
61	The influence of the <i>Klebsiella pneumoniae</i> regulatory gene <i>nifL</i> upon the transcriptional activator protein <i>NifA</i>	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Kreutzer R. Cannon W. et al.	MOLECULAR MICROBIOLOGY	1990
62	Activation of the <i>Klebsiella pneumoniae</i> <i>nifU</i> promoter: Identification of multiple and overlapping upstream <i>NifA</i> binding sites	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Cannon W.V. Kreutzer R. et al.	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	1990
63	In vivo studies on the interaction of RNA polymerase- $\sigma$ 54 with the <i>Klebsiella pneumoniae</i> and <i>Rhizobium meliloti</i> <i>nifH</i> promoters. The role of <i>NifA</i> in the formation of an open promoter complex	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Buck M.	JOURNAL OF MOLECULAR BIOLOGY	1989



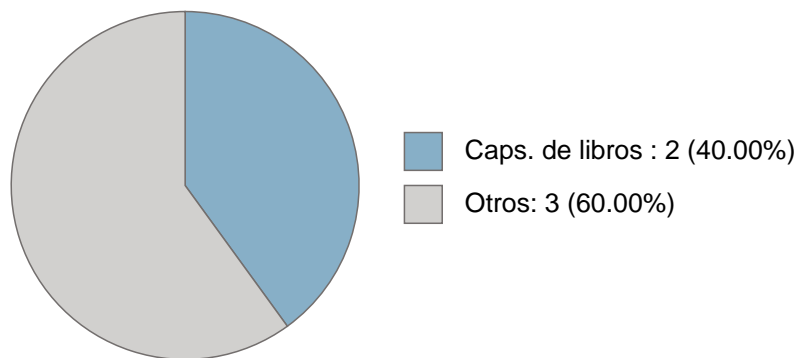
**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

64	The DNA-binding domain of the transcriptional activator protein nifA resides in its carboxy terminus, recognises the upstream activator sequences of nif promoters and can be separated from the positive control function of nifA	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Cannon W. Buck M.	NUCLEIC ACIDS RESEARCH	1988
65	Transcription analysis of the three nifH genes of Rhizobium phaseoli with gene fusions	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ MA. SOLEDAD MORENO LEON ELDA GUADALUPE ESPIN OCAMPO	MOL GEN GENET	1988
66	NifA-dependent in vivo protection demonstrates that the upstream activator sequence of nif promoters is a protein binding site	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Buck M.	PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE UNITED STATES OF AMERICA	1988
67	Impaired nitrogen fixation and glutamine synthesis in methionine sulfoximine sensitive (MSs) mutants of Rhizobium phaseoli	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ MA. SOLEDAD MORENO LEON ELDA GUADALUPE ESPIN OCAMPO	Mgg Molecular & General Genetics	1985
68	?-Amidase pathway in the degradation of glutamine in Neurospora crassa	JORGE CALDERON ESPINOSA DE LOS MONTEROS JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ JAIME BIENVENIDO MORA Y CELIS	JOURNAL OF BACTERIOLOGY	1985

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**LIBROS Y CAPITULOS CON ISBN**

**Obras con registro ISBN**

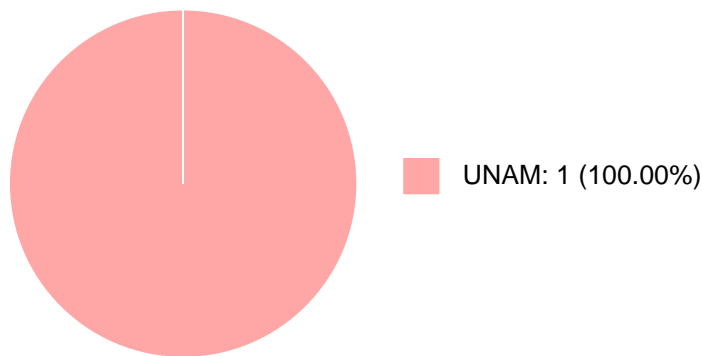


#	Título	Autores	Alcance	Año	ISBN
1	Caracterización del sistema de dos componentes PilS/PiIR y su mecanismo de regulación sobre el gen pilA en geobacter sulfurreducens	LETICIA OLVERA RODRIGUEZ JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ KATY JUAREZ LOPEZ	Capítulo de un Libro	2015	9786079023300
2	Genes involved in electron transfer mechanism in g. Sulfurreducens	KATY JUAREZ LOPEZ MARICELA OLVERA RODRIGUEZ VERONICA JIMENEZ JACINTO et al.	Capítulo de un Libro	2015	9786079023300
3	MOCEA: A multi-objective clustering evolutionary algorithm for inferring protein-protein functional interactions	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Tapia J.J. Vallejo E.E.	Conferencia Paper	2009	9781605583259
4	Fuzzy C-means for inferring functional coupling of proteins from their phylogenetic profiles	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Fernández J.C. Vallejo E.E.	Conferencia Paper	2006	1424406234
5	Inferring functional coupling of proteins using the Evolutionary Bond Energy Algorithm	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ Watanabe R. Vallejo E.E.	Conferencia Paper	2006	1424406234

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**PARTICIPACIÓN EN PROYECTOS**

**Histórico de participación en proyectos**

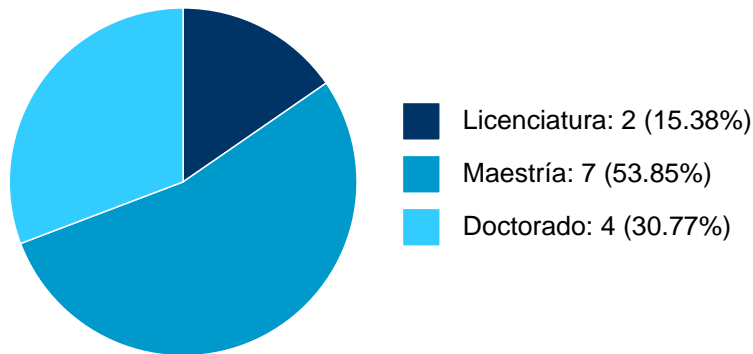


#	Nombre	Participantes	Fuente	Fecha inicio	Fecha fin
1	Regulación de la expresión genética a nivel global en bacterias.	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ	Presupuesto de la UNAM asignado a la Dependencia	01-01-2014	30-06-2021

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**PARTICIPACIÓN EN TESIS**

**Histórico de Colaboraciones en Tesis**



#	Título del documento	Tipo de Tesis	Sinodales	Autores	Entidad	Año
1	Caracterización metatranscripcional de la microbiota intestinal en población infantil mexicana con obesidad y síndrome metabólico	Tesis de Maestría	ENRIQUE MERINO PEREZ,	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ, ADRIAN OCHOA LEYVA, et al.	Instituto de Biotecnología,	2019
2	Diseño de metodologías de enriquecimiento con transcritos primarios para detección de sitios de inicio de la transcripción en escherichia coli k12 : (técnicas Capture y pH-Switch)	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Aguilar Ordoñez, Israel,	Instituto de Biotecnología,	2015
3	Uso de tecnologías para análisis bioinformático de datos de secuenciación masiva	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Riveros Mckay Aguilera, Fernando,	Instituto de Biotecnología,	2014

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

4	Estudios cristalográficos de THIN de Thermotoga maritima, Pirococcus furiosus y Sulfolobus solfataricus, una probable enzima análoga a la tiamina fosfato sintasa de Escherichia coli	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Pedraza, Pérez, Yagul,	Instituto de Biotecnología,	2010
5	Promiscuidad catalítica y adaptabilidad evolutiva : evolución in vitro y reclutamiento contingente de un intermediario generalista en la ruta de biosíntesis de la biotina	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Contreras Ferrat, Luis Gabriel,	Instituto de Biotecnología,	2009
6	Aspectos moleculares del mecanismo de activación transcripcional de los promotores dependientes de o54 : comunicacion funcional entre el motivo GAFTGA del activador y la Region I de o54 durante el inicio de la transcripcion	Tesis de Doctorado	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Dago Rodriguez, Angel Ernesto,		2007
7	Ampliación de la especificidad de la enzima ácido 7,8-diaminopelargonico sintasa de E. coli, para demostrar la posible existencia de intermediarios no específicos	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Torres Sosa, Christian,		2006
8	Caracterización del mecanismo de regulación por oxígeno de la actividad de NifA de Bradyrhizobium japonicum	Tesis de Doctorado	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Juárez López, Katy,		2000
9	Aspectos moleculares de los mecanismos de expresión de promotores bacterianos sigma-54 y sigma-70 dependientes	Tesis de Doctorado	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Grande Cano, Ricardo Alfredo,		2000

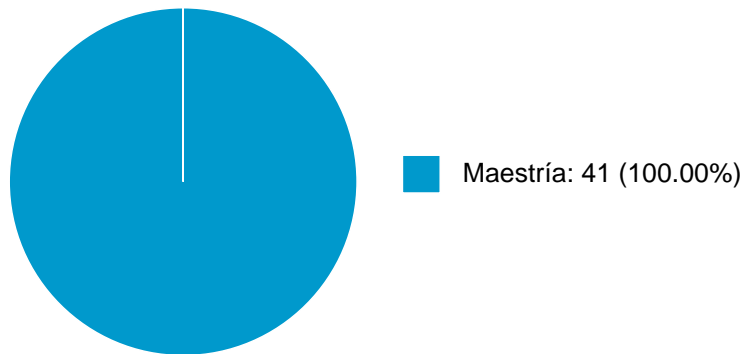
**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

10	Analisis de la interaccion de NifA de R. meliloti con las repiones promotoras UAS (Upstream Activato (Sequences) de los genes nif mediante mutagenesis dirigida	Tesis de Maestría	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Davila Ramos, Sonia,	1998
11	El mecanismo de activacion transcripcional a distancia en bacteria y la region de control positivo de NifA	Tesis de Doctorado	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	FRANCISCO XAVIER DEL ESPIRITU SANTO SOBERON MAINERO, González Zúñiga, Víctor Manuel,	1998
12	Mutagenesis oligo dirigida de la region promotora-10/-35 de Operon fix RnifA de Bradyrhizobium japonicum	Tesis de Licenciatura	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Grande Cano, Ricardo Alfredo,	1996
13	Filogenia y evolucion molecular de las proteinas regulatorias : Two component	Tesis de Licenciatura	JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ,	Davila Ramos, Sonia,	1994

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**DOCENCIA IMPARTIDA**

**Histórico de docencia**



#	Nivel titulación	Asignatura	Entidad	Alumnos	Semestre
1	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2018-1
2	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACIÓN III	Facultad de Química	1	2017-2
3	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACIÓN II	Instituto de Biotecnología	1	2017-2
4	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II-313369	Facultad de Química	1	2017-1
5	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Facultad de Química	1	2016-2
6	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Facultad de Química	1	2016-1
7	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Facultad de Química	1	2016-1
8	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Facultad de Química	1	2015-2
9	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2014-2
10	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2014-1
11	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2014-1
12	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2014-1
13	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2013-2
14	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2013-2
15	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION I	Instituto de Biotecnología	1	2013-1
16	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2012-2
17	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	2	2012-2
18	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2012-2
19	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2012-2
20	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2012-1
21	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	2	2012-1
22	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2012-1
23	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2012-1
24	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2011-2

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

25	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION I	Instituto de Biotecnología	2	2011-2
26	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Facultad de Química	1	2011-2
27	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2011-1
28	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2011-1
29	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2011-1
30	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2011-1
31	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	2	2010-2
32	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2010-2
33	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2010-2
34	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Facultad de Química	1	2010-1
35	Maestría	SEMINARIO DE INVESTIGACION I	Instituto de Biotecnología	1	2010-1
36	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION I	Instituto de Biotecnología	1	2010-1
37	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2009-2
38	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2009-1
39	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION III	Instituto de Biotecnología	1	2008-2
40	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2008-1
41	Maestría	TRABAJO DE INVESTIGACION II	Instituto de Biotecnología	1	2008-1





**Sistema Integral de Información Académica**  
**Coordinación de Planeación, Evaluación y**  
**Simplificación de la Gestión Institucional**  
**Reporte individual**



**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**PATENTES**

**No se encuentran registros en la base de datos de patentes asociados a:**

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**JUAN ENRIQUE MORETT SANCHEZ**

**FUENTES DE INFORMACIÓN**

**Internos**

#	Información	Fuente	Sistema	Periodo
1	Grupos ordinarios y resumen de historias académicas	DGAE	SIAE	2008-2025
2	Nombramientos, datos generales, estímulos, premios y reconocimientos	DGAPA	RUPA	2008-2025
3	Producción Académica	CH	Humanindex	2008-2021
4	Producción Académica	CIC	SCIC	2000-2017
5	Proyectos	DGPO	SISEPRO	2018-2022
6	Tesis	DGB	TESIUNAM	2008-2024
7	Tutorías en Posgrado	CGEP	SIIPosgrado	2008-2021

**Externos**

#	Información	Fuente	Sistema	Periodo
8	Documentos Indexados	Elsevier	Scopus	2008-2025
9	Documentos Indexados	Thomson Reuters	WoS	2008-2025
10	Obras con registro ISBN	INDAUTOR	Agencia ISBN	2008-2025
11	Patentes	IMPI	SIGA	2008-2024